

Acerca de las características clínicas y evolución de pacientes con COVID-19 atendidos en servicios de urgencias españoles

On clinical characteristics and outcomes of patients with COVID-19 treated in Spanish emergency departments

Sr. Editor:

Hemos leído con interés el artículo sobre "Evaluación de las características clínicas y evolución de pacientes con COVID-19 a partir de una serie de 1.000 pacientes atendidos en servicios de urgencias españoles" de Gil-Rodrigo *et al.* publicado en EMERGENCIAS¹. Estamos de acuerdo con el análisis de las variables basales como edad y obesidad, y su asociación con una evolución desfavorable de la enfermedad. Sin embargo, consideramos que la raza también es una característica sociodemográfica relevante en este tipo de pacientes y debió ser evaluada con la finalidad de

demostrar su influencia en el curso y desenlace de la enfermedad. Máxime considerando que ya varios autores habían remitido sus opiniones sobre la afectación muy particular del COVID-19 en ciertos grupos étnicos. Así, Aldrige *et al.* (2020)² reportaba que, comparados a pacientes de raza blanca, existe un mayor riesgo de requerir ventilación mecánica o fallecer en individuos negros (10,6% frente a 6,5%), asiáticos (15,3% frente a 12,2%) y de minorías étnicas. Por su parte, Sapey *et al.*³ encontró un mayor riesgo de muerte en grupos étnicos del sur de Asia debido a la mayor prevalencia de otras enfermedades, tales como la enfermedad pulmonar obstructiva crónica, la diabetes mellitus y la fibrilación auricular, comparados con personas blancas. Por el contrario, Raisi-Estabragh *et al.*⁴ refieren que la existencia de una mayor afectación y gravedad de COVID-19 en ciertos grupos raciales no ha podido ser explicada, ya que los factores predisponentes asociados a este pronóstico desfavorable no son por causas cardíacas, metabólicas, socioeconómicas o conductuales. Por ello, recomiendan que la investigación se dirija hacia susceptibilidades biológicas y genéticas. En ese sentido, un estudio publicado en The New England Journal of Medicine⁵ identificó un grupo de genes del cromosoma 3p21.31 como un locus de susceptibilidad genética en pacientes con insuficiencia respiratoria por COVID-19. Adicionalmente, Hou *et al.*⁶ reportaron polimorfismos en el ADN de ACE2 o TMPRSS2, implicados en patologías cardiovasculares y pulmonares en poblaciones africanas y afroamericanas.

Llama la atención que, a pesar de lo referido en pandemias anteriores como las de la gripe de 1918 y 2009, donde se observaron mayores tasas de mortalidad en personas de raza negra en comparación con las la raza blanca, no se hayan realizado las investigaciones a nivel biológico o genético para explicar dichos resultados. Actualmente, el nuevo agente infeccioso SARS-CoV2 causa una afectación desproporcionada en personas de raza negra, asiática y otros grupos étnicos, sin que se conozca su asociación concluyente con cierto tipo de cromosoma humano debido a la falta de estudios de investigación relacionados al mismo. Creemos que, así como existen enfermedades ligadas a regiones cromosómicas específicas que afectan a un tipo particular de raza, las investigaciones siguientes

deberían profundizar en el estudio genético para entender las causas de susceptibilidad y resistencia en las diversas razas alrededor del mundo.

Miriam Cajas-García,
Elizabeth Huanca-Choquehuanca,
Omar Pillaca-Pullo

*Escuela Profesional de Medicina Humana,
Universidad Privada San Juan Bautista, Lima, Perú.
elizabeth.huanca@upsjb.edu.pe*

Conflicto de intereses: Los autores declaran no tener conflicto de interés en relación al presente artículo.

Contribución de los autores, financiación y responsabilidades éticas: Todos los autores han confirmado su autoría, la no existencia de financiación externa y el mantenimiento de la confidencialidad y respeto de los derechos de los pacientes en el documento de responsabilidades del autor, acuerdo de publicación y cesión de derechos a EMERGENCIAS.

Editor responsable: Óscar Miró.

Artículo no encargado por el Comité Editorial y con revisión externa por pares.

Bibliografía

- 1 Gil-Rodrigo A, Miró Ò, Piñera P, Burillo-Putze G, Jiménez S, Martín A, et al. Evaluación de las características clínicas y evolución de pacientes con COVID-19 a partir de una serie de 1000 pacientes atendidos en servicios de urgencias españoles. *Emergencias*. 2020;32:233-41.
- 2 Aldridge RW, Lewer D, Katikireddi SV, Mathur R, Pathak N, Burns R, et al. Black, Asian and minority ethnic groups in England are at increased risk of death from COVID-19: Indirect standardisation of NHS mortality data. *Wellcome Open Res*. 2020;5:1-20.
- 3 Sapey E, Gallier S, Mainey C, Nightingale P, McNulty D, Crothers H, et al. Ethnicity and risk of death in patients hospitalised for COVID-19 infection in the UK: An observational cohort study in an urban catchment area. *BMJ Open Respir Res*. 2020;7:1-11.
- 4 Raisi-Estabragh Z, McCracken C, Bethell MS, Cooper J, Cooper C, Caulfield MJ, et al. Greater risk of severe COVID-19 in Black, Asian and Minority Ethnic populations is not explained by cardiometabolic, socioeconomic or behavioural factors, or by 25(OH)-vitamin D status: study of 1326 cases from the UK Biobank. *J Public Health (Oxf)*. 2020;42:451-60.
- 5 Genomewide Association Study of Severe Covid-19 with Respiratory Failure. *N Engl J Med*. 2020;383:1522-34.
- 6 Hou Y, Zhao J, Martin W, Kallianpur A, Chung MK, Jehi L, et al. New insights into genetic susceptibility of COVID-19: An ACE2 and TMPRSS2 polymorphism analysis. *BMC Med*. 2020;18:1-8.